

Claim

1. A kind of DNA chip for diagnosing the mutation of the hereditary anemia related genes, wherein fixed specific DNA probes for testing the above-
5 said mutation on the glass slide, silica plate, membrane and macromolecular materials. The said probes are as follows:

<p>β (27-28) 1</p> <p>β (27-28) 2</p> <p>β (43) 1</p> <p>10 β (43) 2</p> <p>β (42+T) 2</p> <p>IVS (2-1) 1</p> <p>IVS (2-1) 2</p> <p>β (1) 1</p> <p>15 β (1) 2</p> <p>β (8) 1</p> <p>β (8) 2</p> <p>β (8-9) 2</p> <p>β (37) 1</p> <p>20 β (37) 2</p> <p>P (+40-43) 1</p> <p>P (+40-43) 2</p> <p>P (β31, IVS1) 1</p> <p>P (IVS1) 2</p> <p>25 β (31) 2</p> <p>P (cap+1) 1</p> <p>P (cap+1) 2</p> <p>β (19) 1</p> <p>β (19) 2</p> <p>30 β (95+A) 1</p>	<p>TGG TGA GGC CCT GGG CAG (SEQ ID NO:1)</p> <p>GGT GAG GCC CCT GGG CAG (SEQ ID NO:2)</p> <p>GGT TCT TTG AGT CCT TT (SEQ ID NO:3)</p> <p>GGT TCT TTT AGT CCT TT (SEQ ID NO:4)</p> <p>AGG TTC TTT TGA GTC CT (SEQ ID NO:5)</p> <p>CTT CAG GGT GAG TCT (SEQ ID NO:6)</p> <p>CTT CAG GAT GAG TCT (SEQ ID NO:7)</p> <p>ACA GAC ACC ATG GTG CAC CT (SEQ ID NO:8)</p> <p>ACA GAC ACC AGG GTG CAC CT (SEQ ID NO:9)</p> <p>GAG GAG AAG TCT GCC (SEQ ID NO:10)</p> <p>TGA GGA GGT CTG CCG (SEQ ID NO:11)</p> <p>AGG AGA AGG TCT GCC (SEQ ID NO:12)</p> <p>TAC CCT TGG ACC CAG (SEQ ID NO:13)</p> <p>TAC CCT TAG ACC CAG (SEQ ID NO:14)</p> <p>GCA ACC TCA AAC AGA CA (SEQ ID NO:15)</p> <p>AGC AAC CTC AGA CAC CA (SEQ ID NO:16)</p> <p>CAC CCT TAG GCT GCT GG (SEQ ID NO:17)</p> <p>CCC ACC CTG AGG CTG CT (SEQ ID NO:18)</p> <p>CCC TTA GGT GCT GGT GG (SEQ ID NO:19)</p> <p>ATT GCT TAC ATT TGC (SEQ ID NO:20)</p> <p>ATT GCT TCC ATT TGC (SEQ ID NO: 21)</p> <p>AAG GTG AAC GTG GAT (SEQ ID NO:22)</p> <p>AAG GTG AGC GTG GAT (SEQ ID NO:23)</p> <p>CTG TGA CAA GCT GCA (SEQ ID NO:24)</p>
--	--

	β (95+A) 2	TGT GAC AAA GCT GCA (SEQ ID NO:25)
	IVS (2-5) 1	AGG GTG AGT CTA TGG (SEQ ID NO:26)
	IVS (2-5) 2	AGG GTG ACT CTA TGG (SEQ ID NO:27)
	β (41-42) 1	CAG AGG TTC TTT GAG T (SEQ ID NO:28)
5	β (41-42) 2	CAG AGG TTG AGT CCT T (SEQ ID NO:29)
	IVS (2-654) 1	GTT AAG GCA ATA GCA (SEQ ID NO:30)
	IVS (2-654) 2	GTT AAG GTA ATA GCA (SEQ ID NO:31)
	β (17) 1	CTG TGG GGC AAG GTG AAC (SEQ ID NO:32)
	β (17) 2	CTG TGG GGC TAG GTG AAC (SEQ ID NO:33)
10	β (71-72) 1	TGC CTT TAG TGA TGG (SEQ ID NO:34)
	β (71-72) 2	TGC CTT TAA GTG ATG (SEQ ID NO:35)
	β (71-72) 3	TGC CTT TTA GTG ATG (SEQ ID NO:36)
	IVS (1-5) 1	CAG GTT GGT ATC AAG (SEQ ID NO:37)
	IVS (1-5) 2	CAG GTT GCT ATC AAG (SEQ ID NO:38)
15	IVS (1-1) 1	TGG GCA GGT TGG TAT (SEQ ID NO:39)
	IVS (1-1) 2	TGG GCA GTT TGG TAT (SEQ ID NO:40)
	β (30) 2	CTG GGC GGG TTG GTA (SEQ ID NO:41)
	P (-28) 1	GGG CAT AAG AGT CAG (SEQ ID NO:42)
	P (-28) 2	GGG CAT AGG AGT CAG (SEQ ID NO:43)
20	P (-29) 2	TGG GCA TGG AAG TCA (SEQ ID NO:44)
	P (-30) 1	CTG GGC ATA AAA GTC (SEQ ID NO:45)
	P (-30) 2	CTG GGC ACA AAA GTC (SEQ ID NO:46)
	P (-31) 2	GCT GGC CGT AAA AGT (SEQ ID NO:47)
	P (-32) 2	GGC TGG GAA TAA AAG (SEQ ID NO:48)
25	β (14-15) 1	TAC TGC CCT GTG GGG CAA GG (SEQ ID NO:49)
	β (14-15) 2	TAC TGC CCT GGT GGG GCA AG (SEQ ID NO:50)
	HbE (26) 1	TGG TGG TGA GGC CCT (SEQ ID NO:51)
	HbE (26) 2	TGG TGG TAA GGC CCT (SEQ ID NO:52)

30 α -thalassemia, HbH, HbS and HbM hemoglobin abnormality.

Constant Spring Mutation

P(cs)1 ATA CCG TTA AGG TGG (SEQ ID NO:53)

P(cs)2 ATA CCG TCA AGC TGG (SEQ ID NO:54)

Quong SZE Mutation

5 P(qs) 1 GCC TCC CTG GAC AAG (SEQ ID NO:55)

P(qs)2 GCC TCC CCG GAC AAG (SEQ ID NO:56)

HbS Sickle Cell Anemia Mutation

P(hbs)1 ACT CCT GAG GAG AAG (SEQ ID NO:57)

P(hbs)2 ACT CCT GTG GAG AAG (SEQ ID NO:58)

10 Duan Mutation

P(duan)1 GTG GAC GAC ATG CCC (SEQ ID NO:59)

P(duan)2 GTG GAC GCC ATG CCC (SEQ ID NO:60)

HbM Mutation

P (hbm) 1 TAA GGG CCA CGG CAA (SEQ ID NO:61)

15 P (hbm) 2 TAA GGG CTA CGG CAA (SEQ ID NO:62)

P (hbm) 3 CGA CCT GCA CGC GCA (SEQ ID NO:63)

P (hbm) 4 CGA CCT GTA CGC GCA (SEQ ID NO:64)

P (hbm) 5 AAG AAA GTG CTC GGT (SEQ ID NO:65)

P (hbm) 6 AAG AAA GAG CTC GGT (SEQ ID NO:66)

20 P (hbm) 7 TGA GCT GCA CTG TGA (SEQ ID NO:67)

P (hbm) 8 TGA GCT GCA CTG TGA (SEQ ID NO:68)

P (hbm) 9 GAA GGC TCA TGG CAA (SEQ ID NO:69)

P (hbm) 10 GAA GGC TTA TGG CAA (SEQ ID NO:70)